

*U*<sup>b</sup>

Züchter-Seminar 15. / 16. Februar 2014

Rassezuchtverein für Hovawart-Hunde, e. V. (RZV)  
D – Seminarzentrum Rückersbach in Johannesberg

UNIVERSITÄT  
BERN

# Informationen und Daten zur degenerativen Myelopathie

Elisabeth Dietschi

Institut für Genetik

VETSuisse Fakultät der Universität Bern

[Elisabeth.Dietschi@vetsuisse.unibe.ch](mailto:Elisabeth.Dietschi@vetsuisse.unibe.ch)

<http://www.genetics.unibe.ch>

## Prognose und Verlauf

***u<sup>b</sup>***

UNIVERSITÄT  
BERN

### **Immer ein Todesurteil**

Dauer ab den ersten Symptomen bis zur Euthanasie:

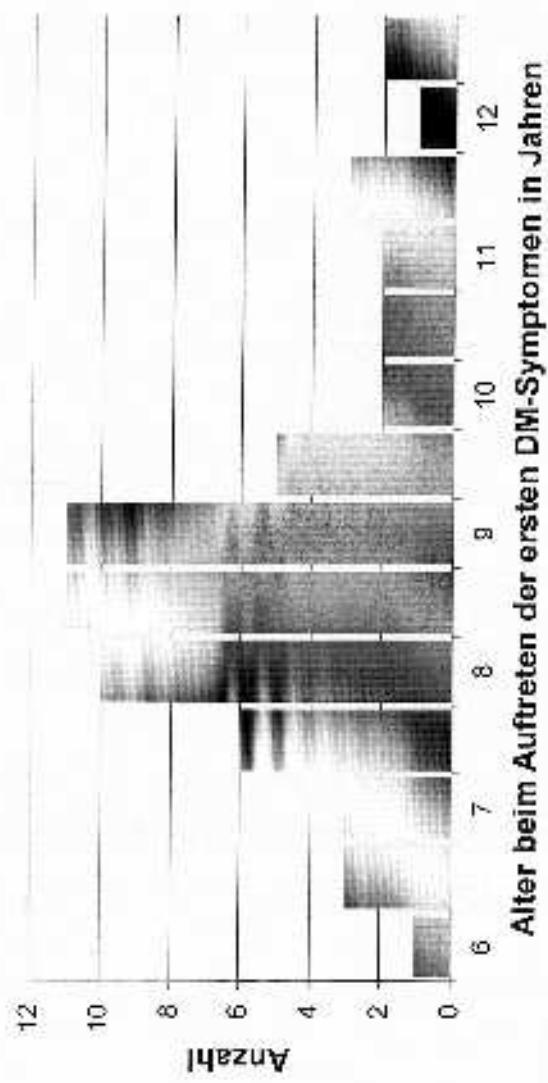
Wenige Monate bis zu 3 Jahren

$u^b$

Alter beim Auftreten von ersten Symptomen

Zwischen 8 und 9 Jahre

Minimum: 6 Jahre / Maximum: 13 Jahre



E. Dirischi, 2013, Institut für Geriatrie,  
Universität Bern

# DM-Fälle in Datenbank der Universität Bern

## Anzahl DM-Fälle

**151 Hunde mit DM aus 11 Ländern**

72% aus Deutschland

RZV	53%
HZD	31%
Dissidenz	16%
Goslar	1%

**1600 Blutproben aus 16 Ländern**

64% aus Deutschland

RZV	55%
HZD	43%

Wie vererbt sich die DM?

$u^b$

## Erbgang der SOD1-Mutation (E40K): Autosomal rezessiv

Damit ein rezessives Merkmal in Erscheinung tritt, muss es **reinerbig (homozygot) vorliegen.**

Homozygote Hunde (*reinerbig für die Mutation*):

Daten Bern: **100% erkranken an DM**

Heterozygote Hunde (*Trägertiere oder mischerbig*):

Daten Bern: **7.6% entwickeln DM-ähnliche Symptome**

Normale Hunde (*ohne Mutation*)

Daten Bern: **3.8% entwickeln DM-ähnlichen Symptome**

*u*<sup>b</sup>

Warum erkranken Träger und normale Hunde?

UNIVERSITÄT  
BERN

### Unvollständige Penetranz

- Modifizierende Gene
- Umwelt
- Oder

### Andere Mutationen als die bekannte SOD1-Mutation E40K

- Andere Mutation im SOD1-Gen gefunden T18S
- Oder

### Ganz andere Erkrankung als DM, aber gleiche Symptome

- Bei anderen Rassen gefunden

*u*<sup>b</sup>

## Validierung des SOD1-Testes beim Hovawart

UNIVERSITÄT  
CONN

- 2008/2009 Entdeckung einer Mutation auf dem SOD1-Gen (E40K)  
= Hoch-Risikofaktors für DM, validiert für 5 Rassen

Für den Hovawart zu dem Zeitpunkt noch nicht validiert

- 2012 **Validierung des SOD1-Gentestes für den Hovawart**  
(Histopathologische Untersuchungen an 18 Hovawart-Hunden,  
Universitäten Düsseldorf und Bern)

SOD1-Mutation (E40K) = Hoch-Risikofaktor beim Hovawart  
**→ SOD1-Gentest für Zuchttiere obligatorisch**

## Allel-Frequenz

$U^b$

UNIVERSITÄT  
BERN

## Daten Universität Bern: 1200 Hunde getestet

Allel-Frequenz der getesteten SOD1-Mutation: 33%

Anteil der Genotypen in der Population:

Normal	45%	55% tragen die Mutation
Träger	44%	
Homozygot für SOD1-Mutation	11%	

# Paarungs-Schema

$U^b$

UNIVERSITÄT  
BERN

## Folgende Verpaarungen sind sinnvoll:

Genotyp der Eltern	Wahrscheinlichkeit für normal	Wahrscheinlichkeit für Träger	Wahrscheinlichkeit für 'at risk'
Normal x Normal	100%	0%	0%
Normal x Träger	50%	50%	0%
Normal x 'at risk'	0%	100%	0%

Träger und 'at risk'-Hunde müssen in der Zucht bleiben!

Warum?

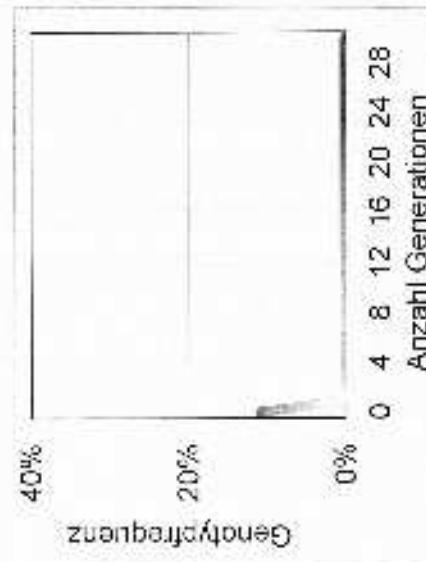
Population darf auf keinen Fall kleiner werden

→ Inzuchtanstieg

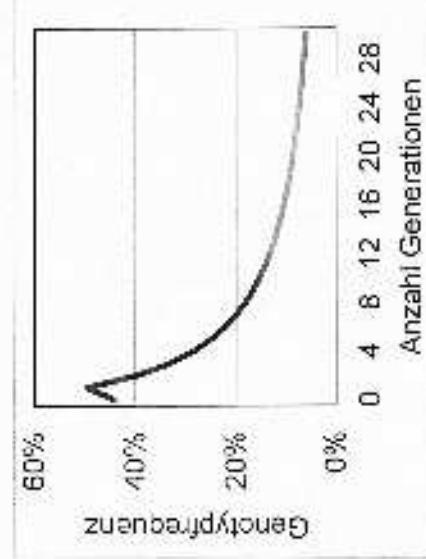
→ Neue Erbkrankheit kommen zum Vorschein

All Genotypen bleiben in der Zucht:  
Ein Zuchtpartner immer normal

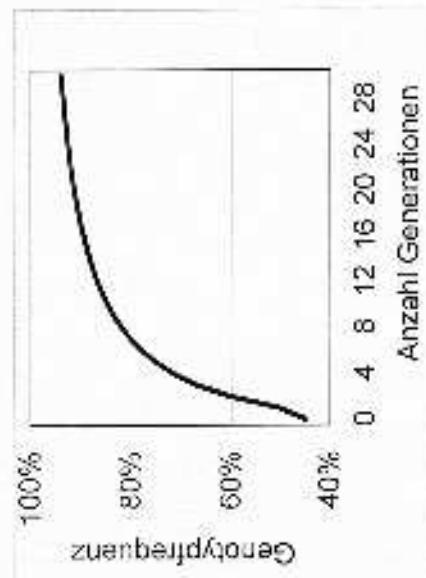
### 'At Risk'-Hunde



### Träger



### Normale Hunde



Nach 1 Generation 0%

Aktuell

45%

44%

Nach 4  
Generationen

72%

28%

Nach 10  
Generationen

85%

15%

$U^b$

Alle Genotypen bleiben in der Zucht:  
Genotyp wird nicht beachtet bzw. nicht geprüft

UNIVERSITÄT  
BERN

### Situation heute

Normal	45%
Träger	44%
Homozygot für SOD1-Mutation	11%

55% tragen die Mutation

**Es kommt zu einer Zunahme von Trägern und 'at-Risk-Hunden'**

Population ist geschlossen → Zunahme der Inzucht

## Kein Gentes - Folgen?

**Rechtlich:** Gewährleistungspflicht für die Züchter?

**Öffentlichkeit:** Tierschutzrelevanter Zustand

**In der Zucht:**

Zunahme der kranken Hunde

Weniger Welpenkäufer, da schlechtes Image

→ Kleinere Population

→ Inzucht nimmt zu

→ **Zusätzliche Probleme**